***Entamoeba* sequence types (SQT) based on consensus sequences generated by the metabarcoding assay.**

**>SQT-A**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTAAAATGCGTTAAGTAGTTGGAAACTGTACTCTGTATAGTGGAAGGCTTACAATAAAAGACGCTTAGGCGAAACTTACCTCTGGTAAGTTTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATACTAAGGAGATCTATTTATAGATTTCGAGAAAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTGAAAATCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-B**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAAGCATTTAGTGCTTGGAGGCTCTGTTCGCAGGGTTGAAGAGTACAACAAACGAATGCCTTAGGTGATGCTCTTCGGAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATCGAGGAGATCTTTCGGGATTTCGAGAAAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-C**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAAGCGTATAGTGCTTGGAGCTCTGCTTTGCAGGGTGAAGGGCACAATTAAACGACGCCTTAGGTGATGCTCTTCGGAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATTGAGGAGATCCTTCGGGATTTCGAGAAAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-E**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAAGCATCCAGTGGGCGAATCTTTGCTTGCAAAGGGGAAGTTTCACAATATAAAGGTGCGGAGGCGATGCTTCTTCGGAAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATCGAGGGGATCCTTCGGGATTTCGAGATAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCATTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-F**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAAGTATCCTAGTGGAATGAGGCTTTCCTTGGAAAGTTGAATTTCACGCTATAATGGTGCGGAGGCGATGCTTCTTCGGAAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATTGAGGGGATCCTTCGGGATTTCGAGATAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-G**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAAGCATTTTGTGGACAGATGCTCTGCCTGTCAGAGAGGAAGTTTTACTATATGGATGCGTAGGCGATACTTTTTAAAAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATCAAGGGGATCCTTCAGGATTTCGAGATAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAGTAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-H**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAATGTTTCCTAGTATATGGAGGTTCTGCTTGCAGGGCTGATATGTACAATTAATGGAACTTAGGCGATGCTGCTCACGCGGTATCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATTGAGGAGATTCTTCGGGATTTCGAGAGAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAGGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA

**>SQT-I**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTATAAGACACTAGAATGGGCAGAAGCTTTTCGAAGTGGAGCTCTATTCGCTAAAGTGTTTAGGTGATACTTACTTCGGTTAGTGTCATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATTGAAGGAGATCCTTTATGGATTTCGAGGATAAGGATTAAGAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTAAAATTCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTAC

**>SQT-J**

AGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTCCAATAGTGTATATTAAAGTTGCTGTGATTAAAACGCTCGTAGTTGAATTGAAAAGTGTCTAGCTTGGGAAAGCCGGGTAACCGGGGGACTCTTGCGTTAACGGACATGAAGGTTATGGTCGCAAGGCCGTAATTACTTTGAAAAAAATAGGGTGTTTAAAGCAAATCTTATGTTAATGAATAATGAAGCATGGGACAATATTGAGGAGATCCCTTTTGGGATGTCGAGATAAGGATTAAAAGGAACAATTGGGGTGATTCAGAAAATAACGGGAGAGGTGAAAATCCATGATCGCTATAAGATGCACGAGAGCGAAAGCATTTCACTCAATTGCGTTCATTAATCAAGAACGAAAGTTA